

KLT2 PIX@PEAKS v163-v165

Volume II chapters 4-6, Evidence-D morphism map, KLT-RBD5.10 dashboard import/export release

Автор: Курпишев Иван Борисович / Ivan Borisovich Kurpishev · Independent Researcher, Kaliningrad

Полное имя	KLT2_PIX_PEAKS_VOLUME2_EVIDENCE_MORPHISM_DASHBOARD_RU_EN_v163_
Статус	volume2_evidence_morphism_dashboard_without_truth_status
Источник главной страницы	Index.docx, add-only block
truth-status	0
publication_verified_status	0

Точка v163-v165 развивает следующую линию проекта «Логика Курпишева 2»: углубление математики предсказательного метода в физике, химии, биологии и ДНК, а также перенос этой математики в рабочий сайт и программную среду KLT-RBD5.10. В этой точке не повышается truth-status и не вводится publication_verified_status. Главная задача сборки - расширить доказательную архитектуру, оформить главы томов монографии и подготовить программную карту import/export dashboard.

Методологический принцип сохраняется неизменным: проект не имеет права превращать локальный формальный сигнал в глобальное утверждение без D/Dom, proof-object, morphism gate, Evidence-D gate и воспроизводимого реестра. Красивое совпадение, удачная формула, похожий граф, высокий гроху-индекс и даже удачная визуализация не являются доказательством сами по себе. Печальная новость для тех, кто любит короновать таблицы, но хорошая новость для математики.

v163. Volume II, главы 4-6: packet morphisms, projective reductions, Fano morphism barrier

4. Packet morphisms. В проектной геометрии Курпишева packet morphism понимается не как произвольная стрелка между объектами, а как отображение, сохраняющее структуру события@состояния, Repер-четвёрку и достаточное основание D. Если классическая геометрия обычно интересуется сохранением инцидентности, коллинеарности, cross-ratio или группы преобразований, то KLT-RBD требует дополнительного слоя: источник, домен, достаточное основание и статус должны переноситься вместе с геометрической формой.

Определение. Пусть A и B - два source-bound домена. Packet morphism $M: A \rightarrow B$ называется admissible, если для всякого существенного объекта x из A существует объект $M(x)$ в B такой, что сохраняются: R-содержание, I-инвариант, U-поле допустимых обобщений, D-доказательное основание, Dom-дисциплина, unit/uncertainty при числовых данных, а также статусный класс claim-status. В короткой форме:

$$M(\text{Rep}_A(R,I,U;D)) = \text{Rep}_B(R',I',U';D')$$

с условиями $\text{source}(M)$, $\text{Dom}(M)$, $D(M)$, $\text{status}(M) = \text{preserved} / \text{explicitly transformed} / \text{blocked}$.

Если хотя бы одно из условий не выполнено, M не является proof-preserving morphism. Он может остаться heuristic map, review map, visualization map или analogy map, но не может повышать theorem status. В терминах монографии это означает, что перенос из физики в химию, из белка в ДНК, из сметы в логистику или из графа формул в финансовый проект не является автоматическим. Нужен явный morphism ledger.

5. Projective reductions. Проективная редукция в KLT-RBD не присваивает себе классическую проективную геометрию. Cross-ratio, гармоническое значение -1, projectivization, Fano plane и инцидентность принадлежат prior art. Вклад KLT-RBD состоит в том, что эти элементы используются как контрольные структуры для source-bound formula-chain audit. Это принципиально важно для внешнего рецензента: новизна проекта не в том, что cross-ratio существует, а в том, что cross-ratio включён в граф доказательных оснований, гар-карт, Reper-узлов и статусов.

Projective reduction имеет вид:

```
source object -> normalized object -> projective shadow -> Reper(R,I,U;D) -> lambda channel -> status ledger.
```

Если projective shadow даёт λ около -1 или другой «красивый» реперный сигнал, он не становится доказательством без D и Dom . Он попадает в review_seed или theorem_candidate. Это правило защищает проект от подмены: математическая гармония не должна превращаться в рекламную магию.

6. Fano morphism barrier. Плоскость Фано используется как audit barrier. Локальный Fano-like pattern может быть важным сигналом, но он не становится global Fano carrier без compatible identification maps. Для глобализации нужны семь точек, семь линий, incidence preservation, source preservation, D preservation и status preservation. Если хотя бы одно условие не доказано, объект остаётся local carrier / obstruction carrier / review candidate.

Теорема v163-001 (Fano morphism barrier, рабочая форма). Пусть C - локальный граф реперных или формульных отношений, в котором обнаружен Fano-like incidence pattern. Если не предъявлены compatible identification maps, сохраняющие incidence, D , Dom , source и channel semantics, то C не может быть зарегистрирован как global Fano carrier. Его статус не выше local Fano-like carrier или theorem-candidate under morphism gap.

Доказательство. По определению global carrier должен сохранять не только схему инцидентности, но и source-bound доказательную привязку. Локальный pattern может возникнуть как совпадение, как результат проекции, как следствие выбора канала или как artefact of representation. Без compatible maps отсутствует гарантия, что один и тот же объект сохраняется при переходе между слоями. Следовательно, глобальный статус запрещён. QED.

Практический смысл для физики, химии, биологии и ДНК: похожая семиточечная структура в спектрах, реакциях, белковых доменах или геномных участках не может быть объявлена «общим законом» без доказанного морфизма. Да, очень жаль для любителей немедленных сенсаций. Зато это хотя бы похоже на метод, а не на охоту за созвездиями в таблицах.

7. Развёрнутое обоснование packet morphism. Packet morphism необходим потому, что один и тот же видимый объект в разных доменах может иметь разный доказательный смысл. Например, число в смете может быть стоимостью, лимитом, резервом,

индексом инфляции или ошибочно продублированной позицией. Формально это означает, что morphism должен переносить не только значение, но и роль значения. В классической математике часто достаточно сохранить структуру. В KLT-RBD этого недостаточно: требуется сохранить роль в проектном графе, источник и достаточное основание. Поэтому racket morphism имеет три слоя: синтаксический, семантический и доказательный.

Синтаксический слой отвечает за совпадение форматов: строки, таблицы, формулы, записи, идентификаторы. Семантический слой отвечает за то, что объект означает внутри своего домена: цена, работа, материал, спектральная линия, реакция, белковый домен, геномная координата. Доказательный слой отвечает за то, почему этот объект можно использовать: договор, акт, норматив, статья, база данных, протокол измерения, ссылка на API, хэш выгрузки. Только их совместное сохранение позволяет говорить о morphism-preserving transfer.

Отсюда следует важный инженерный вывод: KLT-RBD5.10 должна хранить для каждой связи не только edge type, но и edge warrant. Edge type говорит, какая связь указана; edge warrant говорит, почему ей можно доверять. Если edge warrant отсутствует, связь не удаляется, но получает статус gar или blocker. Это делает базу не просто графовой витриной, а машиной доказательной дисциплины.

Projective reductions в этой главе являются способом получить видимую математическую тень сложного объекта. Документ, смета, химическая реакция или белковая последовательность не являются напрямую точками проективной прямой. Но их можно привести к структурной четверке $(R, I, U; D)$, а затем изучать положение этих четырёх оснований как проективно-гармоническую конфигурацию. При этом reduction не уничтожает исходный объект. Он создаёт auditable projection, которую можно проверить, оспорить, заменить или отклонить.

Существенная осторожность: если reduction даёт красивое значение lambda, это ещё не значит, что исходный объект «истинен». Это значит, что в данной нормализации его Rerf-конфигурация близка к гармоническому состоянию. Для сметы это может означать согласование факта, нормы, поля допустимых значений и документа. Для физики - согласование канала, источника и числового класса. Для химии - согласование стехиометрии, энергии и кинетического слоя. Для биологии и ДНК - согласование последовательности, аннотации и координатного основания. Но всякий такой вывод остаётся зависимым от D и Dom.

Fano morphism barrier нужен для защиты от сильнейшего соблазна проекта: увидеть семь элементов, семь связей и немедленно назвать это фундаментальной структурой. В KLT-RBD это запрещено. Fano-like pattern является важным сигналом, но он может быть тенью другого графа, результатом выбора проекции или эффектом неполных данных. Поэтому глобальная Fano-структура требует отдельной карты отождествления. Эта карта должна быть не художественным рисунком, а объектом proof-ledger.

Proof-ledger для Fano claim включает: список семи точек, список семи линий, incidence matrix, source anchors для каждой точки и линии, Dom для каждого объекта, D для каждой идентификации, proof-object для глобализации и blocker list. Если какой-то элемент отсутствует, claim переводится в local_fano_like_carrier_without_globalization. Такое понижение статуса не является поражением. Это именно та дисциплина, которая позволяет позднее получить

сильное утверждение без статуса-инфляции.

Пример для строительной сметы. Пусть семь узлов соответствуют проектированию, материалам, логистике, монтажу, контролю, резерву и оплате. В графе может возникнуть Fano-like замыкание: каждая тройка связана через финансовый поток. Но если резерв не подтверждён документом D, а логистика имеет другой договорной источник, структура не глобализуется. KLT-RBD фиксирует её как risk carrier, а не как гармонически закрытый проект.

Пример для физики. Семь спектральных классов могут образовать локальную структуру совпадений по lambda channel. Но если direct f_out отсутствует, а часть каналов derived, глобализация невозможна. Объект остаётся review candidate. Это не ломает физическую ветку, а защищает её от преждевременной публикационной претензии.

Пример для ДНК. Семь участков последовательности могут образовать повторяющийся motif graph. Но без genome build, coordinate convention, sequence hash и transcript/protein mapping глобальный биологический вывод запрещён. Именно поэтому v163 формулирует Fano barrier не как украшение, а как рабочий запрет на ложную универсализацию.

v164. Общая Evidence-D карта морфизмов: физика, химия, биология, ДНК

Задача v164 - построить общий язык для четырёх доменов: PHYS, CHEM, BIO, DNA. Эти домены не сводятся друг к другу. У каждого есть собственные источники, единицы измерения, неопределённости, форматы данных, null-модели, blind split, proof-object и критерии воспроизводимости. Поэтому междоменная карта должна быть не метафорой, а строгим реестром morphism gates.

Определение. Evidence-D object в домене X имеет вид:

$F_X(o) = (\text{quantity/value/object, unit, uncertainty, channel, Dom, D, source, status}).$

Для физики F_{phys} может включать величину, значение, единицу, неопределённость, канал, спектральный класс или loop certificate. Для химии F_{chem} включает вещество, реакцию, стехиометрию, энергию, кинетический параметр, источник и условия. Для белка F_{bio} включает accession, organism, taxon_id, sequence hash, length, features, structure id. Для ДНК F_{DNA} включает accession, coordinate convention, sequence kind, hash, length_nt, gc_content, variant id, источник и статус.

Общий morphism map строится как частичная функция:

$M_{XY}: \text{Evidence-D}_X \rightarrow \text{Evidence-D}_Y,$

где X,Y принадлежат {PHYS, CHEM, BIO, DNA}. Морфизм допустим только если закрыты: source preservation, D preservation, Dom compatibility, unit/uncertainty compatibility, channel registry, null family, blind split, status rule. Если перенос идёт между биологией и ДНК, добавляется gene -> transcript -> protein coordinate chain. Если перенос идёт между физикой и химией, добавляется micro/macro interpretation gate. Если перенос идёт между химией и биологией, добавляется molecule -> pathway / material -> biological role gate.

Лемма v164-001 (Cross-domain non-promotion). Сигнал в домене X не повышает статус утверждения в домене Y без admissible Evidence-D morphism M_{XY} . В частности:

physics review signal != chemistry evidence; chemistry review signal != biology evidence; protein signal != DNA signal; DNA coordinate signal != protein proof; projective analogy != domain proof.

Доказательство. Статус утверждения определяется не только формой найденного паттерна, но и доказательной цепочкой D/Dom. При переходе между доменами меняется семантика объектов, единицы, ошибка, допустимые null-модели и способы внешней проверки. Если M_XY отсутствует, у нас есть максимум analogy/review seed. Следовательно, повышение статуса блокируется. QED.

Для физической ветки это означает, что Hol_D или HolText_D не подтверждают химическое $H_DNC_chem^{strict}$. Для химии это означает, что найденный стехиометрический или кинетический паттерн не доказывает биологическую функцию. Для биологии это означает, что белковая структура не доказывает ДНК-вариант без coordinate-preserving цепочки. Для ДНК это означает, что геномный участок не доказывает функциональный белковый вывод без transcript/protein mapping.

Введение такой карты важно для прикладной KLT-RBD5.10: программа должна показывать не только найденные связи, но и запреты. Если пользователь видит «морфизм отсутствует», он понимает, почему система не делает сильный вывод. Это неприятнее рекламной панели с зелёными галочками, но полезнее для гранта, аудита и рецензента, у которого ещё не окончательно испорчены нервы.

Таблица доменных маршрутов v164:

PHYS -> CHEM: spectrum/energy route only through unit, object identity, source and uncertainty gates.
CHEM -> BIO: molecule/reaction route only through compound identity, condition, biological pathway and source gates.
BIO -> DNA: protein/feature route only through gene/transcript/protein chain and sequence hash gates.
DNA -> BIO: coordinate/variant route only through organism, genome build, transcript annotation and protein mapping.
ANY -> KLT theorem: only through proof ledger, dependency graph and status ledger.

2. Подробная структура Evidence-D morphism map. Домен PHYS использует измеримые величины, единицы, неопределённости и источники данных. Домен CHEM использует вещества, реакции, условия, стехиометрию, энергию и кинетику. Домен BIO использует организмы, белковые последовательности, функции, структуры и аннотации. Домен DNA использует последовательности, координаты, сборки генома, варианты и transcript/protein mapping. Эти домены не образуют простую лестницу. Между ними есть мосты, но каждый мост должен быть доказан.

PHYS -> CHEM. Физический сигнал может перейти в химию только если существует общий объект или общий измерительный слой. Например, спектральный сигнал может относиться к элементу, иону или молекуле, но химическое утверждение требует идентичности вещества, условий, источника и химического контекста. Без этого физический канал остаётся только внешним признаком. Поэтому физический Hol_D, lambda channel или spectral pattern не подтверждает химическую гипотезу $H_DNC_chem^{strict}$.

CHEM -> BIO. Химическое вещество может иметь биологическую роль, но эта роль не следует из формулы вещества сама собой. Нужны источник, экспериментальный или справочный контекст, pathway, организм, условия, доза, концентрация и механизм. В KLT-RBD это превращается в molecule-to-bio morphism gate. Если gate не закрыт, химическая карточка не повышает биологический статус.

BIO -> DNA. Белковый сигнал может указывать на генетическое основание, но требует цепочки gene -> transcript -> protein. Эта цепочка должна сохранять organism, taxon_id, genome build, transcript id, protein accession, sequence hash и coordinate convention. Без неё белковая структура не доказывает ДНК-вариант. Это особенно важно для будущих импорта UniProt/RCSB/NCBI/Ensembl.

DNA -> BIO. ДНК-вариант может иметь биологическое значение, но не каждый вариант приводит к белковому изменению, и не каждое белковое изменение ведёт к функции. Поэтому DNA-to-bio morphism должен включать annotation status, variant consequence, transcript selection, evidence source and functional claim boundary. KLT-RBD фиксирует этот путь как доказательную цепочку, а не как свободный комментарий.

Общий статусный оператор v164 можно записать так:

Status_Y(M_XY(C)) <= min(Status_X(C), MorphismGate_XY, EvidenceGate_Y).

Иными словами, перенос никогда не может быть сильнее самого слабого gate. Если исходный объект review_seed, то результат не может быть theorem. Если morphism gap, то результат не может быть verified. Если целевой Evidence-D gate открыт, то результат остаётся pending. Это простое правило делает KLT-RBD устойчивым против междоменной инфляции.

Важная философская часть: междоменная карта не отрицает единство природы. Она отрицает только ленивый переход от похожести к доказательству. Мир может быть связан глубже, чем наши таблицы, но программа должна фиксировать только те связи, для которых есть источник, домен и достаточное основание. Иначе получится не философия природы, а бухгалтерия совпадений.

Для физики будущий путь состоит в получении numeric Hol_D loop certificates, direct f_out, faithful contraction K_D и внешнего воспроизведения. Для химии - в формировании $n \geq 20$ numeric-complete classes с prelock, matched-null, q_FDR и external reproduction. Для биологии - в белковых классах с устойчивыми последовательностями и структурами. Для ДНК - в координатно закрытых sequence classes. Только после этого возможна настоящая междоменная проверка.

В v164 закладывается таблица blocker categories: source blocker, Dom blocker, D blocker, unit blocker, uncertainty blocker, coordinate blocker, null blocker, blind blocker, morphism blocker, proof blocker, reproduction blocker. Каждый blocker является не отказом от исследования, а точкой дальнейшей работы. Хорошая база данных должна уметь хранить не только знания, но и честно оформленные незнания.

v165. KLT-RBD5.10 dashboard import/export release under 250 MB

v165 переводит предыдущие математические и доменные правила в программную карту KLT-RBD5.10. Главная задача - создать dashboard import/export release, который не является финальной промышленной платформой, но уже задаёт реалистичную архитектуру: локальная SQLite-база, импортные контракты, экспорт отчётов, контроль статусов, файл site-delta до 250 MB и отдельные блоки сайта.

Минимальная рабочая архитектура:

1. Input layer: документы, таблицы, API-выгрузки, PDF, XML, Excel, TeX/HTML/MD, научные тексты, сметы, химические таблицы, белковые и ДНК-идентификаторы. 2. Normalization layer: приведение к source-bound rows с hash, source_id, Dom, D, unit,

uncertainty. 3. Reper layer: построение Rep(R,I,U;D), PIX, PEAKS и channel registry. 4. Evidence gate layer: D/Dom, null, blind, proof, Fano/morphism, reproduction. 5. Dashboard layer: отображение claim-status, blockers, theorem candidates, domain maps, import jobs. 6. Export layer: PDF report, site page, SQLite snapshot, package ZIP, SHA256SUMS.

Важное правило v165: dashboard не должен выглядеть как «готово», если статус не закрыт. Поэтому UI должен показывать классы: definition_core, review_seed, theorem_candidate, formal_theorem_under_axioms, blocker, publication_verified_status_zero. Нельзя делать интерфейс, где любой импорт автоматически превращается в зелёный отчёт. Это не dashboard, а цифровой макияж.

KLT-RBD5.10 TextWork связывает тексты монографии с proof-ledger. Каждый параграф может стать text_unit, каждое утверждение - claim_node, каждая формула - formula_node, каждая зависимость - dependency_edge, каждый недостающий источник - blocker_card. Для монографии это означает, что переписывание томов перестаёт быть литературным процессом и становится доказательным процессом.

Import/export release v165 должен поддерживать следующие контуры:

- Import PHYS: ASD, arXiv/math physics, loop certificate candidates. - Import CHEM: PubChem/NIST route, reaction and kinetic class candidates. - Import BIO: UniProt/RCSB routes, protein feature and structure candidates. - Import DNA: NCBI/Ensembl routes, sequence and variant candidates. - Import TEXT: monograph paragraphs, formulas, theorem statements, reviewer responses. - Export SITE: add-only pages, canonical index from Index.docx, no-loss links. - Export REPORT: PDF report for reviewer/grant/site. - Export DB: SQLite snapshot.

Для сайта v165 установлено правило: корневые index.html и Index.html строятся только из Index.docx как canonical source. Новые блоки добавляются перед закрытием main, без переписывания шапки, стиля, старых карточек и прежней структуры. Сайт не рекламная витрина, а архивный хранитель проекта. Если сайт теряет старый файл, он не обновлён, а повреждён. Увы, HTML иногда приходится воспитывать как непослушный шкаф с ссылками.

Теорема v165-001 (Dashboard non-promotion theorem). Пусть Dsh - dashboard KLT-RBD5.10, отображающий объект C с вычисленными индексами, графом связей и карточками. Если хотя бы один из gates {D/Dom, Stat, Null, Blind, Fano/Morphism, Proof, Repr} не закрыт, то Dsh(C) не может иметь статус publication_verified_status. Доказательство следует из определения status operator: dashboard является отображением статуса, а не источником доказательства. Следовательно, UI не может повышать статус объекта. QED.

Смысл для грантовой и промышленной версии прост: KLT-RBD5.10 должен быть убедителен именно тем, что умеет показывать ограничения. Для государственных закупок, строительного аудита, финансовых моделей, логистики, физики, химии, биологии и ДНК это одна и та же этика вычисления: лучше честный blocker, чем красивый ложный отчёт.

2. Подробная архитектура dashboard release. KLT-RBD5.10 должен поддерживать несколько типов пользователей: исследователь, разработчик, аудитор, редактор монографии, внешний рецензент, заказчик пилота. Для каждого из них dashboard показывает разные уровни, но не меняет статус объекта. Пользовательский

интерфейс не имеет права делать то, что не сделал proof-ledger.

Researcher view показывает источники, Reper cards, lambda channels, theorem candidates, Fano barriers and morphism gaps. Developer view показывает import jobs, schema validation, hash checks, sqlite integrity, export logs. Auditor view показывает risks, gaps, overlaps, missing D, duplicated objects, underfunding links, overclaiming warnings. Editor view показывает claim-status, paragraph-to-proof links, volume map and blocker table. Reviewer view показывает what is proved / what is not claimed.

Import contract v165. Каждый импорт обязан иметь SourceManifest. Для файлов это имя, формат, дата, hash, источник и версия. Для API - endpoint, query parameters, date, response hash and normalized schema. Для документов - title, author/source, page/section anchor, extraction method and confidence. Без SourceManifest импорт может быть exploratory only.

Export contract v165. Каждый экспорт должен выдавать human-readable PDF, site-safe page, SQLite snapshot, SHA256SUMS and package manifest. При этом CSV/JSON/HTML могут лежать внутри машинного пакета, но не должны навязываться пользователю как отдельные файлы ответа, если это запрещено рабочими правилами чата. Отчёт должен быть понятен не-математику, а machine layer должен оставаться проверяемым.

Site contract v165. Главная страница строится из Index.docx. Это не просьба, а invariant. Любое обновление должно иметь вид: read Index.docx -> preserve original HTML -> insert add-only block before </main> -> write index.html and Index.html. Запрещено переписывать шапку, CSS, старые карточки и прежнюю структуру без отдельного прямого указания. Сайт хранит корпус, а не демонстрирует настройку сборщика.

Monograph contract v165. Каждый том имеет volume_id, chapter_id, source anchors, claim-status, proof-ledger links, blockers and next action. Это нужно для того, чтобы многотомная «Логика Курпишева» не распалась на философские, математические, физические и программные острова. Том должен быть связан с программой, программа - с базой, база - с источниками, источники - с Reper, Reper - с D.

Dashboard theorem v165-001 означает следующее: если программа показывает красивый граф, но в графе отсутствуют proof-object или reproduction, dashboard обязан показать предупреждение. Если пользователь хочет «зелёный отчёт», а объект не прошёл gates, программа должна сопротивляться. В этом месте KLT-RBD становится не просто инструментом анализа, а дисциплиной ответственного вывода.

Практическая применимость к государственным закупкам и строительному аудиту очевидна: смета часто разрушает проект не только завышением, но и недофинансированием критического узла, наложением работ, разрывом последовательности, дублированием позиции или отсутствием документального основания. KLT-RBD переводит эти проблемы в graph/risk/blocker language. Это не заменяет экспертизу, но делает её менее зависимой от человеческой слепоты и заинтересованности.

Практическая применимость к научным работам состоит в formula-chain audit: программа показывает, где автор перескочил через определение, где theorem-candidate назван theorem, где классический prior art выдан за новый вклад, где local pattern необоснованно глобализован. Для монографии это особенно важно, потому что проект содержит сильные авторские идеи, и именно поэтому их нельзя ослаблять статусной инфляцией.

Итоговый roadmap после v165: v166 расширяет Volume II примерами и контрпримерами; v167 открывает Volume III с формальным NAPG core; v168 собирает dashboard package with import/export command set. После этого можно переходить к более глубокому сшиванию физики, химии, биологии и ДНК через Evidence-D morphism map.

Сводная фиксация v163-v165

Сборка v163-v165 не является объявлением нового физического, химического, биологического или ДНК-закона. Она расширяет математическую архитектуру предсказательного метода: вводит packet morphisms, projective reductions, Fano morphism barrier, общую Evidence-D карту междоменных морфизмов и программную карту KLT-RBD5.10 dashboard import/export release.

Ключевые статусы: truth_status_promoted_count = 0; publication_verified_status_count = 0; global_Fano_carriers = 0; site_index_source = Index.docx; zip_size_rule = under_250_MB; CSV_JSON_HTML_not_linked_separately = true.

Следующая линия: v166 - Volume II chapters 7-9: proof protocols, examples and counterexamples; v167 - Volume III opening: NAPG formal core and stratified-time bridge; v168 - KLT-RBD5.10 dashboard package with import/export command set and site-safe release.

Контрольная таблица v163-v165

Версия	Слой	Результат
v163	Volume II ch.4-6	packet morphisms; projective reductions; Fano morphism barrier
v164	Evidence-D	shared morphism map PHYS/CHEM/BIO/DNA; review protocol
v165	KLT-RBD5.10	dashboard import/export release under 250 MB; alpha